

Filogenetikus fa algoritmusok és alkalmazásuk az ábécé fejlődéséhez

Egy új filogenetikus fa algoritmust mutatunk be, amelyik olyan fákat készít, ahol minden egyes elágazás egy olyan hipotetikus mutáció-halmazt mutat, amelyik az evolúció során valószínűleg bekövetkezett. A filogenetikus faalgoritmusok általában hasznosak nem csak a genetikai hanem másfajta evolúciós kapcsolatok elemzésében is. Például az új algoritmus segítségével pontosabban lehet elemezni a különböző ábécék evolúcióját és mélyebb betekintést nyerni a magyar-székely rovásírás rokoni kapcsolatairól.